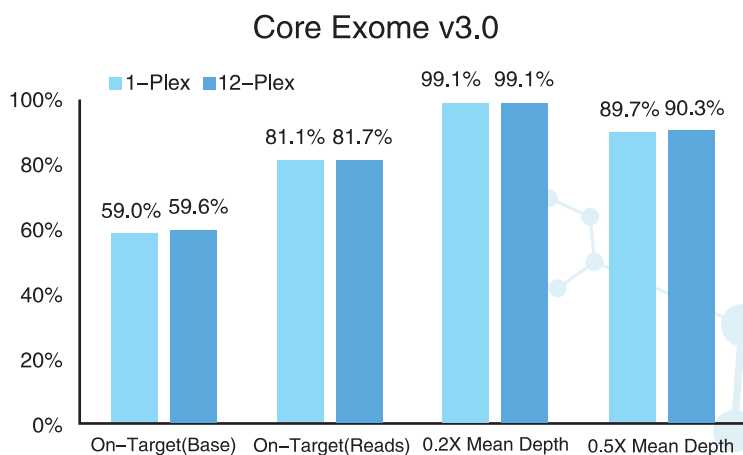


全外显子基因捕获芯片

参考数据库	Refseq、CCDS等	探针属性	ssDNA
参考基因组	GRCh38/hg38	探针长度	120nt
基因数	19441	探针数量	~400,000
目标区域大小	33.9Mb		

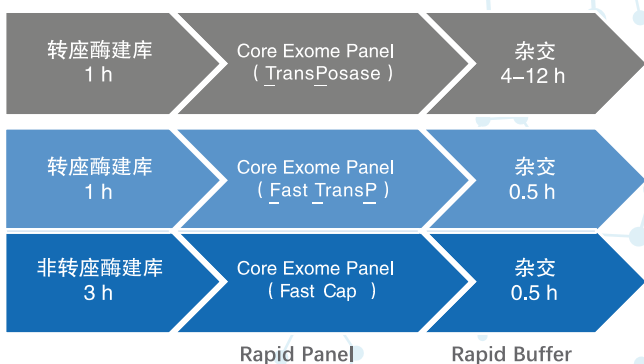
- ◆ 实际覆盖度达99.2%
- ◆ 120nt探针
- ◆ 涵盖19441个基因
- ◆ 40万条探针独立合成

卓越的数据表现



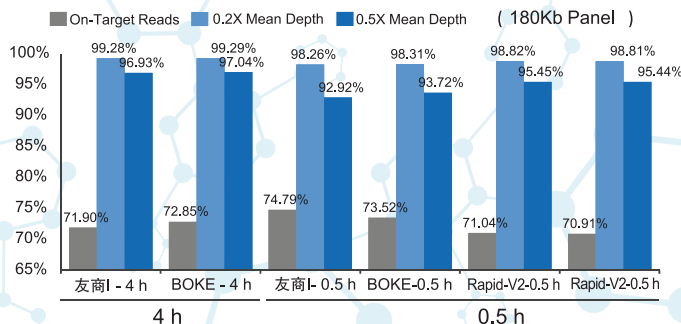
BOKE Core Exome Panel v3.0对DNA文库进行1-plex和12-plex的富集，在Illumina Novaseq平台上进行PE150测序，结果表明，BOKE CoreExomePanelv3.0在1-plex和12-plex的数据表现高度一致，0.2X mean depth达到99.1%。

极速的实验方案



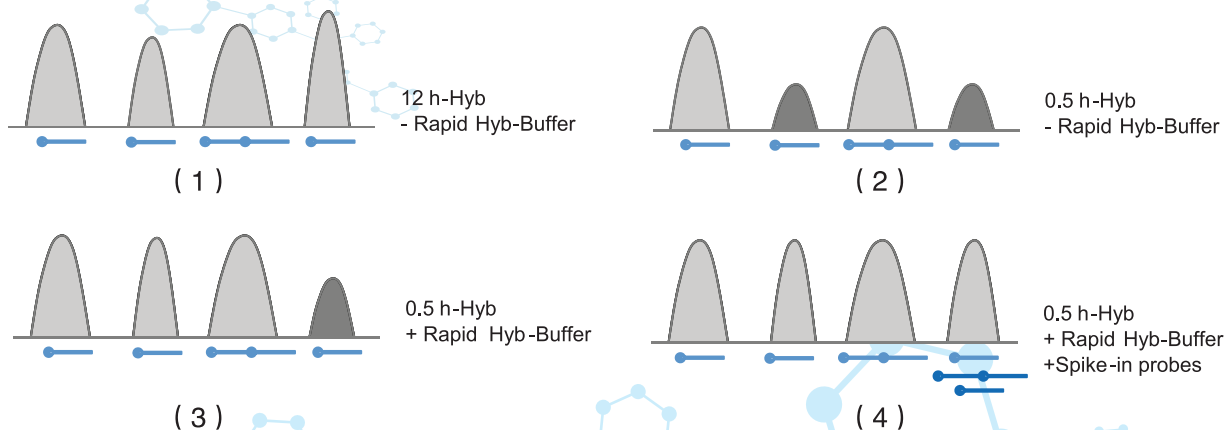
常规 panel 的杂交时间在4~12小时，而快速杂交 Panel的杂交时间在 0.5 小时。

Rapid Hybridization and Wash Kit



BOKE Rapid Hybridization and Wash Kit V2 (TC0024) 与 BOKE Hybridization and Wash Kit (TC0023) 相关性

极速的实验方案



快速杂交探针原理示意图。常规杂交体系中，杂交时间在 4~12 小时，当减少杂交时间至 0.5 小时，发现部分区域的捕获效率降低；当在 0.5 小时的杂交时间，调整常规杂交试剂为快速杂交试剂时，发现之前捕获效率低的区域有部分提高。对于快速杂交试剂处理后，依然捕获效率低的区域，需要调整探针，对于这部分区域调整探针排布，提高其捕获效率。

灵活的模块定制

Panel组成	主要检测内容	探针优势及特点
Gene Panel 主体	SNV/Indel/CNV	热点区域叠瓦式覆盖、覆盖较差区域采用多重覆盖
DNA SV模块	融合基因	通过对探针排布的调整，增加杂交时的容错性，提高融合检出率容忍一定程度的探针同源性，在保证捕获效率的前提下尽可能的提高覆盖度
RNA模块	SV检测/组织溯源/基因分型	探针基于RNA转录本进行设计，可获取基因表达信息；SV检测部分增加JUNCTION探针，可显著提高融合检出能力
免疫模块	肿瘤新生抗原预测/MHC分型/MSI/TMB	探针覆盖所有常见HLA等位基因序列，可准确分型至filed4，可更精准的进行MHC与新生抗原亲和力分析
病毒模块	病毒整合位点检测	HPV、HBV、EBV等多种病毒全基因组覆盖，可准确进行病毒分型和基因整合位点分析

伯科生物科技公司是“中国制造”尖端高通量核酸合成技术创新者。拥有国内独家的高通量核酸合成与修饰技术，致力于建立从寡核苷酸、DNA/RNA序列片段到染色体基因组成和构建的全流程合成生物学平台。

更多信息请访问：<http://www.bokebiotech.com/>

联系电话：18612820048

